

ЗАКАЗ №:

ЗАКАЗЧИК:

Место взятия биоматериала:

ПАЦИЕНТ:

Договор:

Фамилия:

Имя:

Отчество:

Пол:

Возраст:

Образец №:

Вид материала: Первая порция утренней мочи

Регистрация:

Валидация (врач):

Название/показатель

Результат

Референсные значения *

Андрофлор, ДНК

Метод и оборудование: Полимеразная цепная реакция в режиме реального времени

Результат

Выполнено.

Отдельный бланк.

* - Референсные значения приводятся с учетом возраста, пола, фазы менструального цикла, срока беременности.

Интерпретацию полученных результатов проводит врач в совокупности с данными анамнеза, клиническими данными и результатами других диагностических исследований.

Отчет создан:

Заведующая лабораторией:



/И.И. Скибо/



ПАЦИЕНТ:

МЕСТО ЗАБОРА:

ЗАКАЗЧИК:

ЗАКАЗ №:

ИССЛЕДОВАНИЕ:

ЗАРЕГИСТРИРОВАН:

БИОМАТЕРИАЛ: Первая порция утренней мочи

№	Название исследования	Результат		% от СВМО
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	$10^{3.6}$	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	$10^{4.9}$	<input type="checkbox"/>	
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	$10^{3.9}$	-1.1 (6-9%)	<input type="checkbox"/>
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО		<input type="checkbox"/>
4	Streptococcus spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО		<input type="checkbox"/>
5	Corynebacterium spp.	$10^{3.9}$	-1.1 (6-9%)	<input type="checkbox"/>
	Сумма: Нормофлора	$10^{3.9}$	-1.1 (6-9%)	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с бактериозом				
6	Gardnerella vaginalis	$10^{4.2}$	-0.9 (11-15%)	<input type="checkbox"/>
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	$10^{3.7}$	-1.4 (4-5%)	<input type="checkbox"/>
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО		<input type="checkbox"/>
9	Ureaplasma urealyticum *	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	$10^{3.1}$		<input type="checkbox"/>
11	Mycoplasma hominis *	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	$10^{3.9}$	-1.2 (6-8%)	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с бактериозом	$10^{4.5}$	-0.6 (21-29%)	<input type="checkbox"/>
УПМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	$10^{4.6}$	-0.4 (32-43%)	<input type="checkbox"/>
14	Anaerococcus spp.	$10^{4.1}$	-0.9 (10-13%)	<input type="checkbox"/>
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	$10^{3.2}$	-1.9 (1.2-1.6%)	<input type="checkbox"/>
16	Eubacterium spp.	$10^{4.0}$	-1.0 (8-11%)	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	$10^{4.8}$	-0.2 (51-69%)	<input type="checkbox"/>
УПМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Raistonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Raistonia spp. / Burkholderia spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
Дрожжеподобные грибы				
20	Candida spp. *	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	НЕ ВЫЯВЛЕНО	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X)

** Качественный анализ

Заключение

Превышение пороговых значений транзиторной микрофлоры. Рекомендуется повторное взятие биологического материала не менее, чем через три дня (с соблюдением правил подготовки к взятию биоматериала). ВНИМАНИЕ! Транзиторная микрофлора может быть причиной острых воспалительных процессов нижних отделов урогенитального тракта.

Заведующая лабораторией:



И.И. Скибо



Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ>10⁵.

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УМП и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.