



РЕЗУЛЬТАТ УСТАНОВЛЕНИЯ БИОЛОГИЧЕСКОГО РОДСТВА

На основании частного заказа, в ООО «НПФ «ХЕЛИКС» проведено установление биологического родства.

ОПИСАНИЕ ИССЛЕДОВАНИЯ

МАТЕРИАЛЫ, ПРЕДОСТАВЛЕННЫЕ НА ИССЛЕДОВАНИЕ

Исследовались биологические образцы, предоставленные следующими лицами:

Биологическая мать

Отсутствует

Дата рождения: -

Вид биоматериала: -

Код образца: -

Шифр образца: -

Ребенок

ФИО1

Дата рождения:

Вид биоматериала: *Ротовой мазок*

Код образца:

Шифр образца: 1

Предполагаемый отец

ФИО2

Дата рождения:

Вид биоматериала: *Ротовой мазок*

Код образца:

Шифр образца: 2

ЦЕЛЬ ИССЛЕДОВАНИЯ – УСТАНОВИТЬ:

1. Исключается или не исключается биологическое отцовство донора образца с маркировкой: «**ФИО2**», в отношении донора образца ребенка с маркировкой: «**ФИО1**»?
2. Если отцовство не исключается, то какова вероятность того, что полученный результат не является следствием случайного совпадения индивидуализирующих признаков неродственных лиц?

ИССЛЕДОВАНИЕ

Обзор

В основе молекулярно-генетического метода исследования лежит идентификация аллелей ряда полиморфных локусов, уникально наследуемых ребенком от биологических родителей. Исследованию подвергается дезоксирибонуклеиновая кислота (ДНК), выделенная из биологического материала, полученного от обследуемых лиц. У каждого человека клетки биологического материала (кровь, слюна, кости, кожа, мышцы, зубы, сперма, луковицы волос и др.) содержат абсолютно одинаковую ДНК. Она остается постоянной на протяжении всей жизни, не подвергаясь изменениям. Поэтому результаты молекулярно-генетического исследования не зависят от того, какой именно биологический материал исследуется в конкретном случае.

При проведении полимеразной цепной реакции (ПЦР) происходит высоко специфичная амплификация (увеличение количества копий в миллионы раз) определенных фрагментов ДНК, содержащих аллели исследуемых локусов. Это позволяет провести электрофоретическое разделение амплифицированных фрагментов и идентифицировать аллели полиморфных локусов, соответствующие этим фрагментам ДНК.

Выявленные аллели исследованных локусов обозначаются в соответствии со стандартной международной номенклатурой, что позволяет при необходимости проводить межлабораторные сравнения полученных результатов.

Результаты исследования интерпретируются в соответствии с тем фактом, что в момент зачатия ребенка происходит слияние яйцеклетки матери и сперматозоида биологического отца, содержащих гаплоидные наборы хромосом (по 23 хромосомы). После оплодотворения эти два гаплоидных набора хромосом формируют диплоидный набор хромосом ребенка (23 пары хромосом). Таким образом, половину генетического материала ребенок получает от матери и другую половину от биологического отца. Отсюда следует, что в геноме ребенка могут присутствовать только такие аллели полиморфных локусов, которые обнаруживаются у матери и биологического отца. Сравнение генотипов ребенка и матери позволяет установить, какие именно аллели унаследованы ребенком от биологического отца (определить «отцовский набор аллелей» у ребенка).

Вывод об исключении отцовства делается, если в генотипах ребенка и предполагаемого отца отсутствуют совпадающие аллели даже по отдельным локусам. При наличии совпадающих аллелей по всем исследованным локусам у ребенка и предполагаемого отца делается вывод о возможности получения ребенком наследственного материала от обследуемого: «не исключение» отцовства. Иными словами, в исследовании выносятся на разрешение следующий вопрос: *присутствует ли в геноме предполагаемого отца генетический материал, который был передан ребенку биологическим отцом?*

Результаты исследования логически неопровержимы лишь в случаях исключения отцовства. В случаях же «не исключения», поскольку генотипы по исследованным локусам не являются уникальными для каждого человека (например, у однойцевых близнецов генотипы по всем локусам идентичны), информативность проведенного исследования оценивается средствами теории вероятности и математической статистики на основании данных о встречаемости аллелей в популяции. Любой случай «не исключения» отцовства, независимо от количества исследованных локусов, не является логически неопровержимым: формально всегда существует вероятность *случайного* совпадения аллелей в сравниваемых образцах ДНК.



Установление отцовства

ДНК-тест на отцовство позволяет установить, может ли мужчина являться биологическим отцом конкретного ребенка или нет. Возможны два варианта интерпретации результата исследования: (1) исключение отцовства и (2) неисклечение отцовства. Вероятность при неисклечении отцовства в среднем 99,9999% (точность 100% при неисклечении отцовства теоретически не достижима). Существует два типа исследования на отцовство - дуэт и трио. При дуэте анализируются биологические образцы ребёнка и предполагаемого отца. При трио – биологические образцы ребёнка, предполагаемого отца и биологической матери. Важно! Исследование в формате дуэт может проводиться исключительно при невозможности взять биологический материал у биологической матери ребенка.

Уровень доказательности экспертного исследования в случае неисклечения отцовства должен составлять следующие значения:

- для полного трио (мать - ребенок - предполагаемый отец) при условии, что истинность другого родителя считается бесспорной - не ниже 1000 (рассчитываемый как индекс отцовства PI);

- для дуэта (ребенок - предполагаемый отец) в отсутствие другого родителя - не ниже 400 (рассчитываемый как индекс отцовства PI) (приказ Минздравсоцразвития Российской Федерации от 12.05.2010 года № 346н).

Установление материнства

ДНК-исследование на материнство позволяет установить, может ли женщина являться биологической матерью конкретного ребенка или нет. Возможны два варианта интерпретации результата исследования: (1) исключение материнства и (2) неисклечение материнства. Вероятность при неисклечении материнства в среднем 99,9999% (точность 100% при неисклечении материнства теоретически не достижима). Существует два типа исследования на материнство - дуэт и трио. При дуэте анализируются биологические образцы ребёнка и предполагаемой матери. При трио – биологические образцы ребёнка, предполагаемой матери и биологического отца. Важно! Исследование в формате дуэт может проводиться исключительно при невозможности взять биологический материал у биологического отца ребенка.

Уровень доказательности экспертного исследования в случае неисклечения материнства должен составлять следующие значения:

- для полного трио (отец - ребенок – предполагаемая мать) при условии, что истинность другого родителя считается бесспорной - не ниже 1000 (рассчитываемый как индекс материнства PI);

- для дуэта (ребенок – предполагаемая мать) в отсутствие другого родителя - не ниже 400 (рассчитываемый как индекс материнства PI) (приказ Минздравсоцразвития Российской Федерации от 12.05.2010 года № 346н).

Близнецовый тест

Это исследование позволяет установить, являются ли близнецы однойцевыми или разнойцевыми. Возможны два варианта результата исследования: (1) участники могут являться однойцевыми близнецами и (2) участники являются разнойцевыми близнецами. Точность анализа при подтверждении однойцевости - 99.9999% и выше, при исключении – 100%. Для анализа необходимы образцы ДНК двух близнецов.

Сиблинговый тест

Это исследование позволяет определить, имеют ли два человека общими одного или обоих родителей (т.е. являются полусиблингами или полными сиблингами). Существуют две разновидности сиблингового теста: полносиблинговый тест (когда участники точно знают о том, что у них один общий родитель и хотят установить, имеют ли они одного и того же второго родителя) и полусиблинговый тест (когда один родитель у участников исследования предполагаемый общий, а второй точно нет). Возможны три варианта результата анализа: (1) участники могут являться полными (или полу) сиблингами, (2) сиблинговое родство маловероятно (3) неопределенный результат (когда генетические данные не позволяют сделать выводы о возможности того или иного родства).

При вероятности родства 90% и выше выдается заключение о том, что сиблинговое родство возможно, при вероятности 10% и ниже выдается заключение о том, что родство маловероятно. При значениях вероятности родства в промежутке от 10% до 90% нельзя сказать о том, насколько вероятно то или иное родство между людьми, поэтому выдается неопределенное заключение.

Для анализа необходимы образцы ДНК двух людей, которые предположительно являются полусиблингами или полными сиблингами и их бесспорных родителей.

Авнуклярный тест

Это исследование позволяет дать заключение о наличии родства между дядей (тетей) и предполагаемым племянником (племянницей). Возможны три варианта результата исследования: (1) родство вероятно, (2) родство маловероятно (3) неопределенный результат (когда генетические данные не позволяют сделать выводы о возможности того, или иного родства).

При вероятности родства 90% и выше выдается заключение о том, что авнуклярное родство возможно, при вероятности 10% и ниже выдается заключение о том, что родство маловероятно. При значениях вероятности родства в промежутке от 10% до 90% нельзя сказать о том, насколько вероятно то или иное родство между людьми, поэтому выдается неопределенное заключение.

Для анализа необходимы образцы ДНК двух людей, находящихся в предполагаемом родстве, а также биологической матери/биологического отца ребенка.

Дедушка/бабушка – внук/внучка

Это исследование позволяет дать заключение о наличии родства между дедушкой (или бабушкой) и предполагаемым внуком (или внучкой). Существует два типа анализов на такой вид родства - (1) внук (внучка) и бабушка (дедушка) и (2) внук (внучка), бабушка и дедушка. Использование образцов от бабушки и дедушки значительно повышает точность

исследования и в определенных случаях позволяет полностью исключить родство (что невозможно в случаях, когда для анализа предоставлен только образец от бабушки или от дедушки). Возможны четыре варианта результата исследования: (1) родство вероятно, (2) родство маловероятно (3) неопределенный результат (когда генетические данные не позволяют сделать выводы о возможности того, или иного родства) и (4) родство полностью исключено (только для случаев, когда участвуют и бабушка, и дедушка).

При вероятности родства 90% и выше выдается заключение о том, что биологическое родство возможно, при вероятности 10% и ниже выдается заключение о том, что родство



маловероятно. При значениях вероятности родства в промежутке от 10% до 90% нельзя сказать о том, насколько вероятно то, или иное родство между людьми, поэтому выдается неопределенное заключение.

Для анализа необходимы образцы ребенка и бабушки (дедушки), или же ребёнка, бабушки и дедушки, а также биологической матери/биологического отца ребенка.

Исследование Y-хромосомы

Это исследование позволяет определить, имеют ли участники единого патрилинейного предка (т.е. дедушка, родные братья дедушки - отец, родные братья отца - сын, сыновья братьев отца). Заключение даётся на основании исследования Y-хромосомы, которая передаётся исключительно по мужской линии от отца к сыну. При помощи этого исследования можно подтвердить или опровергнуть, являются ли двое мужчин членами одной семьи (при условии того, что у них один предполагаемый мужской прародитель). Также это исследование можно использовать для установления отцовства в отношении мальчиков при отсутствии ДНК отца, когда есть возможность исследовать образцы дедушки по отцовской линии или родного брата отца. Для исследования необходимы образцы ДНК двух мужчин, которые предположительно могут принадлежать одной и той же мужской линии.

Исследование X-хромосомы

Это исследование имеет ограниченное применение, но иногда позволяет установить родственные отношения тогда, когда другие виды исследования дают неопределённый результат. Он пригоден только в случаях, когда ребёнок девочка (девочки получают X-хромосому от отца), предполагаемый отец не доступен для анализа, но есть его (предполагаемого отца) биологическая мать или сестра (ребенка) по отцу. В отличие от исследования аутомомных маркеров, анализ X-хромосомы в приведенной выше конфигурации участников позволяет исключить родство. При неисклoчении родства рассчитываются индекс и вероятность родства. Для исследования необходимы образцы ребёнка (девочки) и ее родственника женского пола (биологическая мать предполагаемого отца и/или сестра (ребенка) по отцу) по отцовской линии. Важно! Одновременное исследование биологической матери ребёнка и (в случае теста на полусиблинговое родство) биологической матери предполагаемой сестры ребенка существенно повышает точность анализа.

Исследование митохондриальной ДНК

Это исследование позволяет определить, имеют ли участники единого матрилинейного предка. Заключение даётся на основании исследования гипервариабельных регионов митохондриальной ДНК, которая передаётся детям обоих полов исключительно от матери.

ВЫДЕЛЕНИЕ ДНК

Выделение ДНК из образцов биологического материала проводили реагентом «ДНК - экспресс» (НПФ «Литех», Россия).

Для мониторинга возможной контаминации при выделении ДНК использовался отрицательный контроль выделения (КВ).

АНАЛИЗ ПОЛИМОРФИЗМА ДЛИНЫ АМПЛИФИЦИРОВАННЫХ ФРАГМЕНТОВ (ПДАФ) ХРОМОСОМНОЙ ДНК

Типирование полиморфных STR-локусов хромосомной ДНК проводили с помощью полимеразной цепной реакции с использованием энзиматической амплификации 25 локусной панели VeriFiler™ Express PCR Amplification Kit (ThermoFisher Scientific, США), руководствуясь Методическими указаниями №98/253 «Использование индивидуализирующих систем на основе полиморфизма длины амплифицированных фрагментов (ПДАФ) ДНК в судебно-медицинской экспертизе идентификации личности и установления родства» (утверждены Минздравом РФ 19.01.1999 г.) и инструкциями фирмы-изготовителя.

Для оценки специфичности реакции амплификации использовали препарат контрольной ДНК (положительный контроль, К+) с известными генотипическими признаками и препарат, не содержащий ДНК (отрицательный контроль, К-).

Продукты полимеразной цепной реакции фракционировали электрофоретически с использованием системы капиллярного электрофореза 3500 Genetic Analyzer (Applied Biosystems, США).

Полученные электрофореграммы анализировали с использованием программного обеспечения GeneMapper® ID-X v1.5 (Applied Biosystems, США) и устанавливали индивидуальные генотипические комбинации аллельных вариантов (профили ПДАФ) типизируемых STR-локусов. Сравнивали индивидуальные генотипические комбинации аллельных вариантов (профили ПДАФ) указанных STR-локусов объектов.

Для расчета суммарного индекса и вероятности родства использовали генетические частоты аллелей, указанные в: (Semikhodskii A et al. 2012. Цит. Ген. 46(6):53-8), лабораторную базу данных частот аллелей, с применением консервативной поправки, рекомендованной NRC II США (National Research Council Committee on DNA Forensic Science. 1996. The Evaluation of Forensic DNA Evidence. National Academy Press), и формулы, приведенные в Buckleton J. et al. 2005. Forensic DNA Evidence Interpretation. CRC Press.

РЕЗУЛЬТАТ ИССЛЕДОВАНИЯ

Таблица №1

Выявленные профили ПДАФ хромосомной ДНК

Лocus	Биологическая мать	Ребёнок	Предполагаемый отец	Индекс отцовства
	Отсутствует	ФИО1	ФИО2	
AMEL	-	X	X, Y	
D3S1358	-	15, 16	14, 16	0.9450
VWA	-	16, 18	16, 17	1.3511
D16S539	-	8, 9	8, 13	10.3148
CSF1PO	-	11, 12	11, 12	1.6769
TPOX	-	8, 11	8, 9	0.4356
Yindel	-	-	2	-
D8S1179	-	13, 15	13	1.6072
D21S11	-	31	31, 32.2	7.6301
D18S51	-	14, 19	17, 19	6.8704
PENTA E	-	5, 7	5, 22	5.6744
D2S441	-	10, 11	11, 14	0.7821
D19S433	-	14	14	2.9265
TH01	-	8, 9.3	7, 9.3	0.8033
FGA	-	22	22, 24	2.8519
D22S1045	-	11, 16	11, 15	1.5346



D5S818	-	9, 12	12	1.4278
D13S317	-	11, 14	9, 14	5.6263
D7S820	-	10	10, 12	1.7031
D6S1043	-	10, 12	12, 20	1.0556
D10S1248	-	15	15, 16	1.8842
D1S1656	-	13, 17.3	17.3	3.1484
D12S391	-	18, 23	18	2.2911
D2S1338	-	20, 21	20, 21	7.7052
PENTA D	-	11, 12	9, 12	1.5641
Комбинированный Индекс Родства				87 548 172
Вероятность родства				99.9999%

Amel - определение генетической половой принадлежности: X – женский пол, XY - мужской пол

Yindel – локус Y-хромосомы; пики флуоресценции, соответствующие аллельным вариантам данного локуса, в норме детектируются только у лиц мужского пола

Выводы и интерпретация результатов:

Основываясь на результатах, полученных при анализе исследованных генетических систем (локусов), биологическое отцовство предполагаемого отца (ФИО2) в отношении ребенка (ФИО1), при условии отсутствия второго (бесспорного) родителя, не может быть исключено, так как у них обнаружено совпадение аллелей по всем информативным локусам. Величина Комбинированного Индекса Отцовства 87 548 172 является произведением величин Индекса Отцовства по каждому проанализированному локусу и свидетельствует о том, что полученные генетические данные в 87 548 172 раза более вероятны, если предполагаемый отец (ФИО2), а не случайно взятый мужчина, является биологическим отцом ребенка (ФИО1). Считая априорную вероятность отцовства равной 50%, вероятность отцовства в настоящем случае составляет 99.9999%.